

Dh 241 CTCATTATACAAATGACMAATGGAGGACGATTACAGTTCTACACATTACTGATCTTT 300
Oy 301 TGGATGAAACCAATTCCAGGTGTTGGATCATATGATGATTTCCATTACTATTGATGGGTG 360
Dh 301 TGGATGAAACCAATTCCAGGTGTTGGATCATATGATGATTTCCATTACTATTGATGGGTG 360
Oy 361 GAGAAAAATGTAAGACAGAGAAAAAGGCATAGACGATCAACACAGAAAAAGAAATCAG 420
Dh 361 GAGAAAAATGTAAGACAGAGAAAAAGGCATAGACGATCAACACAGAAAAAGAAATCAG 420
Oy 421 CATTGGAAATGCAAAAGATTTGTATGATGCGGTGAGAGTGGCTAGATGATGATGATGATG 480
Dh 421 CATTGGAAATGCAAAAGATTTGTATGATGCGGTGAGAGTGGCTAGATGATGATGATGATG 480
Oy 481 CAGGATTTGGCATCAGAGGCGACTGGCGGATTAATAGACATTTGGTGGCATTTGGATGACTG 540
Dh 481 CAGGATTTGGCATCAGAGGCGACTGGCGGATTAATAGACATTTGGTGGCATTTGGATGACTG 540
Oy 541 ACCCTAAAGAGGCGATTTGCTTATGCTGCTGTGTGATACACACAGAACAGTGGTTGGG 600
Dh 541 ACCCTAAAGAGGCGATTTGCTTATGCTGCTGTGTGATACACACAGAACAGTGGTTGGG 600
Oy 601 GATCTAATGAAACAAACATTTGTAAGAGAGGATTAATGTCACAGTGGAAAAACATGGGCGAG 660
Dh 601 GATCTAATGAAACAAACATTTGTAAGAGAGGATTAATGTCACAGTGGAAAAACATGGGCGAG 660
Oy 661 AATTAAATCATAGTCAAGACAGAGGCTGCTGTTCTATATCATGATCAATCATATATGATGATG 720
Dh 661 AATTAAATCATAGTCAAGACAGAGGCTGCTGTTCTATATCATGATCAATCATATATGATGATG 720
Oy 721 TCTTCTGGGCTTTGATGATTTGCTTCTTGTGACATTTCCCTGGTAAAGATTTGCTCCAT 780
Dh 721 TCTTCTGGGCTTTGATGATTTGCTTCTTGTGACATTTCCCTGGTAAAGATTTGCTCCAT 780
Oy 781 ATGCCCTGGCTGATGATTTCCAGAGATTAACAACTATTTAAGTGGATTCATCATAGAG 840
Dh 781 ATGCCCTGGCTGATGATTTCCAGAGATTAACAACTATTTAAGTGGATTCATCATAGAG 840
Oy 841 GTTACTTGGGAAAAATGAGCTTTAATGATTAACAAACATCAATAGTACGTGGTGGCAT 900
Dh 841 GTTACTTGGGAAAAATGAGCTTTAATGATTAACAAACATCAATAGTACGTGGTGGCAT 900
Oy 901 CAGGTTTGGATTTAGAAAAAGAGTCCCTGCTGATGATGCTTGTGCTGGGAAATA 960
Dh 901 CAGGTTTGGATTTAGAAAAAGAGTCCCTGCTGATGATGCTTGTGCTGGGAAATA 960
Oy 961 TCTTTTCCATACCTCTTTCCAAAGATATAGCAACAACGACTAAAAAAGGAGGATCTAT 1020
Dh 961 TCTTTTCCATACCTCTTTCCAAAGATATAGCAACAACGACTAAAAAAGGAGGATCTAT 1020
Oy 1021 CAGCTGCTCAGCTGACGAGGCTTTCTGATGCTTTGGTGCACCAATTTGGAGAGATCTTT 1080
Dh 1021 CAGCTGCTCAGCTGACGAGGCTTTCTGATGCTTTGGTGCACCAATTTGGAGAGATCTTT 1080
Oy 1081 TTAGCTGGAAGAGTACTATTTTCTCTCAAACTTTATGGAATCATTTTGGT 1140
Dh 1081 TTAGCTGGAAGAGTACTATTTTCTCTCAAACTTTATGGAATCATTTTGGT 1140
Oy 1141 CTGCTTTAGTGGCTGATTTGTTTGGTCCATCAATCATTTGTTAGACGCGCTGG 1200
Dh 1141 CTGCTTTAGTGGCTGATTTGTTTGGTCCATCAATCATTTGTTAGACGCGCTGG 1200
Oy 1201 TCCCTTTTATGATGAGATATCATACACATGATACCTTTTGAAGCTTTCCCTTTATTC 1260
Dh 1201 TCCCTTTTATGATGAGATATCATACACATGATACCTTTTGAAGCTTTCCCTTTATTC 1260
Oy 1261 TTCTTAGGGATTTTGGAGGCTTTTGGAGGCTTTTCTATTTAGGCAATTTGCTGCT 1320
Dh 1261 TTCTTAGGGATTTTGGAGGCTTTTGGAGGCTTTTCTATTTAGGCAATTTGCTGCT 1320
Oy 1321 GTGCTGACGCAAGTCCAGCAATTTGGAAGATTCCTTGGAGATCATTTATTTGTTG 1380
Dh 1321 GTGCTGACGCAAGTCCAGCAATTTGGAAGATTCCTTGGAGATCATTTATTTGTTG 1380

Oy 1381 CAGCCATTACTGCTGTGATAGCCTTCCCTAATCCATACACTAGGCTAAACACCAGTGAAC 1440
Dh 1381 CAGCCATTACTGCTGTGATAGCCTTCCCTAATCCATACACTAGGCTAAACACCAGTGAAC 1440
Oy 1441 TGATCAAGAGCTTTTACAGACTGTGTCCTTGGAAATCTCTTCTTTGTGACTACA 1500
Dh 1441 TGATCAAGAGCTTTTACAGACTGTGTCCTTGGAAATCTCTTCTTTGTGACTACA 1500
Oy 1501 GAAATGACATGAAATGCCAGTAAATTTGCGATGACATTCCTGATGCTCCAGCAGGATTTG 1560
Dh 1501 GAAATGACATGAAATGCCAGTAAATTTGCGATGACATTCCTGATGCTCCAGCAGGATTTG 1560
Oy 1561 GAGTATATTCAGCTATATGAGCACTTATGCTGACACTCATATTTAAATCATATATGACAG 1620
Dh 1561 GAGTATATTCAGCTATATGAGCACTTATGCTGACACTCATATTTAAATCATATATGACAG 1620
Oy 1621 TATTCATTTTGGCATCAAGGTTCCATCAGGCTTTTTCATCCCCAGCATGGCCATTTGAG 1680
Dh 1621 TATTCATTTTGGCATCAAGGTTCCATCAGGCTTTTTCATCCCCAGCATGGCCATTTGAG 1680
Oy 1681 CGATCGCAGGAAGGATTTGGGGATTTGGGGATTTGGGAGAGGCTGCTCATATCACACAGCT 1740
Dh 1681 CGATCGCAGGAAGGATTTGGGGATTTGGGGATTTGGGAGAGGCTGCTCATATCACACAGCT 1740
Oy 1741 GGTATATCTTTAAGAGATGATGATGAGGCTGAGGCTGATTTGATTTACACCTGGCTTTATG 1800
Dh 1741 GGTATATCTTTAAGAGATGATGATGAGGCTGAGGCTGATTTGATTTACACCTGGCTTTATG 1800
Oy 1801 CCATGCTGTGCTGCTGCTGATGCTGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1860
Dh 1801 CCATGCTGTGCTGCTGCTGATGCTGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1860
Oy 1861 TTAATGTTTTGAGCTTACAGGCTTGAATATTTGTCCTTATGAGCTGAGTCA 1920
Dh 1861 TTAATGTTTTGAGCTTACAGGCTTGAATATTTGTCCTTATGAGCTGAGTCA 1920
Oy 1921 TGACAGTAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1980
Dh 1921 TGACAGTAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1980
Oy 1981 GATTAATGATTAACCTTCTTCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 2040
Dh 1981 GATTAATGATTAACCTTCTTCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 2040
Oy 2041 CTGACGCTTATGAGACTCGAAGGATGATGCTCCCTAGCTGCTGAGACAGGACATA 2100
Dh 2041 CTGACGCTTATGAGACTCGAAGGATGATGCTCCCTAGCTGCTGAGACAGGACATA 2100
Oy 2101 TGACAGTGAATGATATGAAACATGATTAATGAAACAGCTAACAATGATTTCTGTCA 2160
Dh 2101 TGACAGTGAATGATATGAAACATGATTAATGAAACAGCTAACAATGATTTCTGTCA 2160
Oy 2161 TATGCTCAAAAGAAATCTGAGATTTAGTGGGATTTCCCTCAGAAAGAGCTGACAAATG 2220
Dh 2161 TATGCTCAAAAGAAATCTGAGATTTAGTGGGATTTCCCTCAGAAAGAGCTGACAAATG 2220
Oy 2221 CAATAGAAGTGCAGAGAAAGAAACAGAGGATATGCTTGGAGTCTCGGAGTGTGTTTG 2280
Dh 2221 CAATAGAAGTGCAGAGAAAGAAACAGAGGATATGCTTGGAGTCTCGGAGTGTGTTTG 2280
Oy 2281 CACAGACACACCCATCTTCCAGCAGAAAGTCTTGGGCAATTTGAAGCTTTGAAGCATTT 2340
Dh 2281 CACAGACACACCCATCTTCCAGCAGAAAGTCTTGGGCAATTTGAAGCTTTGAAGCATTT 2340
Oy 2341 TTGACATGAGCCCTTTTACAGTACAGACACACCCCATGAGATTTGGTGGATATTT 2400
Dh 2341 TTGACATGAGCCCTTTTACAGTACAGACACACCCCATGAGATTTGGTGGATATTT 2400
Oy 2401 TCCGAAGAGCTGGAGCTGAGGAGTGGCTTGAATGATGATGAGGCTGCTGGCATTA 2460
Dh 2401 TCCGAAGAGCTGGAGCTGAGGAGTGGCTTGAATGATGATGAGGCTGCTGGCATTA 2460

Db 891 GAGATTAAGACTATTTTGTAGTGGCTTTATCATACAGGGGCTACTTGGGGAATGACCTCTT 950
 QY 864 ATGATTAAGACATCATATGATTCCTGGCTGGCATCAGGTTGATTTGAAGAAAGA 923
 Db 951 CTATACAGACTGTCACCTCTGCTGCTGCTATCTCTGGCTTGAGCTTGGAAGAG 1010
 QY 924 GGTGCCCCGTGACATGTCCTGTTGCTGCGAAATATCTTTCTACCTCTTTCCAAAG 983
 Db 1011 GGGCCACTGTCATGTCGATGTCGTCGTGGCAACCTCTTCAGAGCCCTTTCTCCAAAG 1070
 QY 984 TATAGCAACAAAGAGCTAAAAAAGAGAGTGCATATAGCTGCTCAGCTCAGAGGCTT 1043
 Db 1071 TATAGCAAGATGAAGGAGAGGCTGAGTGTCTTTCAGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1130
 QY 1044 TCTGTAGCTTTTGGTGCACCAATTTGAGAGAGTCTTTTATGCTGGAAGAGTTAGCTAT 1103
 Db 1131 TCTGTGGCTTTGGTGTGCTCCATAGAGAGTGTGCTCTTCACTGATAGAGAGAGTCTTAC 1190
 QY 1104 TATTTTCCCTCAAAAACCTTTATGAGATCATTTTGTCTGCTTTAGTGTGCTCATTTGTT 1163
 Db 1191 TACTTTCCCTGAAAACCTTTGAGAGTCTATTTCTGAGCCCTGGTGGCTGCTTCCACA 1250
 QY 1164 TTGAGCTCATCATCATCTTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTG 1223
 Db 1251 CTGGCTCTCATCAACCCCTTTGGAATGAGCGCTGCTGCTTTTACGTGAGATCAT 1310
 QY 1224 ACACCATGATCTTTTGTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTG 1283
 Db 1311 ACACCTCTGTTACATGCTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTG 1370
 QY 1284 TGGGAGGCTTTTTCATTTAGGCAATATTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1343
 Db 1371 TGGGGAACCTCTTCTACACGCTGCAACATTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1430
 QY 1344 TTTGGAAGTATCCCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1403
 Db 1431 CTGGGAGGTTACCAAGTGTGAGTTATTCGGGTGAGACGCGCTACCGCATGCTGCTGCT 1490
 QY 1404 TTCCCTATCCATCATCTAGTCTTAACACAGTGAATGATCAAAAGACCTTTTACAGAC 1463
 Db 1491 TACCCCATCCCTTACACTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1550
 QY 1464 TGTGCTCCCTGGAATCTCTTCTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTT 1523
 Db 1551 TGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1610
 QY 1524 ATTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1583
 Db 1611 CTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1670
 QY 1584 TTATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1643
 Db 1671 CTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1730
 QY 1644 CCATCAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1703
 Db 1731 CCGTCAAGTCTCTTCTATCCCGATGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1790
 QY 1704 ATTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1763
 Db 1791 ATCGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1850
 QY 1764 GAGTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1823
 Db 1851 AGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1910
 QY 1824 TTAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1883
 Db 1911 CTAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1970
 QY 1884 GGTCTGGAATATTTGTTCCCTATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1943
 Db 1971 GGTCTGGAATATTTGTTCCCTATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2030

QY 1944 GCTTTGGCAGGGAAGGCAATTTATGAAACACATCCGATTAATGATACCTTTCTTG 2003
 Db 2031 GCTTTGGGAAGAAGGATTTATACACCCATCCATCCATGATGATGATGATGATGATGAT 2090
 QY 2004 GATGCAAAAGAAATTCATCATACACCCCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2063
 Db 2091 GATGCAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2150
 QY 2064 AATGATCTCTCTTATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2123
 Db 2151 GAGGAACCGCATTTATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2210
 QY 2124 ATGATTAATGAACACGATTAATGATTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2183
 Db 2211 CTCATCAAGAGAGACAGATACACAGGCTTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2270
 QY 2184 TTAGTGGATTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2243
 Db 2271 CTCATCGGCTTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2330
 QY 2244 CAAGAAGTATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2303
 Db 2331 CAAGAAGTATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2390
 QY 2304 GCAGAAAGTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2363
 Db 2391 GCAGAAAGTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2450
 QY 2364 ACAGACACACCCCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2423
 Db 2451 ACAGATCAACCCCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2510
 QY 2424 TGCCTTGTATCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2483
 Db 2511 TGCCTTGTATCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2570
 QY 2484 CATATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2542
 Db 2571 CACATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2629

RESULT 3
 US-09-804-472-3
 : Sequence 3, Application US/09804472
 : Patent No. US20020143146A1
 : GENERAL INFORMATION:
 : APPLICANT: SHAO, Wei et al.
 : TITLE OF INVENTION: ISOLATED HUMAN TRANSPORTER PROTEINS,
 : TITLE OF INVENTION: NUCLEIC ACID MOLECULES ENCODING HUMAN TRANSPORTER PROTEINS,
 : FILE REFERENCE: CLO01163
 : CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/804,472
 : CURRENT FILING DATE: 2001-03-13
 : NUMBER OF SEQ ID NOS: 6
 : SOFTWARE: FASTSEQ for Windows Version 4.0
 : SEQ ID NO 3
 : LENGTH: 65359
 : TYPE: DNA
 : ORGANISM: Human
 : FEATURE:
 : NAME/KEY: misc_feature
 : LOCATION: (1)...(65359)
 : OTHER INFORMATION: n = A,T,C or G
 US-09-804-472-3

Query Match 30.0%; Score 1088.8; DB 10; Length 65359;
 Best Local Similarity 99.8%; Pred. No. 3e-201;
 Matches 1090; Conservative 0; Mismatches 2; Indels 0; Gaps 0;

QY 2443 GGGCCCTCTTGGCATATATACAAAGAAAGATATCTCCGGCATATGCGCCAGACGGCAA 2502
 Db 62274 GGGCCCTCTTGGCATATATACAAAGAAAGATATCTCCGGCATATGCGCCAGACGGCAA 62333

QY 2503 ACCAAGACCCCGCTTCAATATATGTTCACTGAATCTCACAGATGAGAGAGAAGAAC 2562
 |||||||
 Db 62334 ACCAAGACCCCGCTTCAATATATGTTCACTGAATCTCACAGATGAGAGAGAAGAAC 62393
 QY 2563 GGAAGAGGAAGTTATTTGTTGTAATAGACACACTCTTAACTGAGGAGCTCATCTT 2622
 |||||||
 Db 62394 GGAAGAGGAAGTTATTTGTTGTAATAGACACACTCTTAACTGAGGAGCTCATCTT 62453
 QY 2623 TTTTCTCTCTTACAAAAAAGAAAGAAATTAATAAACCGGGTTTGGCAACATGGT 2682
 |||||||
 Db 62454 TTTTCTCTCTTACAAAAAAGAAAGAAATTAATAAACCGGGTTTGGCAACATGGT 62513
 QY 2683 TTGCAATTAATGCTGTGTAATGAGAGAGTTGTTGGGAGGGAAGAGAGAGAAAGAA 2742
 |||||||
 Db 62514 TTGCAATTAATGCTGTGTAATGAGAGAGTTGTTGGGAGGGAAGAGAGAGAAAGAA 62573
 QY 2743 AGCAGTAGGATATTTCCCGCTTAACAGAAAGCAGCTATCACTCTATTTGTTCTGACT 2802
 |||||||
 Db 62574 AGCAGTAGGATATTTCCCGCTTAACAGAAAGCAGCTATCACTCTATTTGTTCTGACT 62633
 QY 2803 GGATGATTCAGCTGAGAGATGCTGATAGTGAGGCTTGGCGCTCAACAGAGATGACA 2862
 |||||||
 Db 62634 GGATGATTCAGCTGAGAGATGCTGATAGTGAGGCTTGGCGCTCAACAGAGATGACA 62693
 QY 2863 GCAGAGTCTCGAGCAGCCTGGCTGTTGCTCAACATTCGAAGAGCAGCATTAACAGTCCC 2922
 |||||||
 Db 62694 GCAGAGTCTCGAGCAGCCTGGCTGTTGCTCAACATTCGAAGAGCAGCATTAACAGTCCC 62753
 QY 2923 TATTTCTAGAGGATTAATGTAATGAGCCATCTATAAACCTGCAAGCTGCTGCTCTT 2982
 |||||||
 Db 62754 TATTTCTAGAGGATTAATGTAATGAGCCATCTATAAACCTGCAAGCTGCTGCTCTT 62813
 QY 2983 TTTTAAATCAAACTGTTCTGTTAATTCATGAATGTATAGTTAACCATTACCTTTCTA 3042
 |||||||
 Db 62814 TTTTAAATCAAACTGTTCTGTTAATTCATGAATGTATAGTTAACCATTACCTTTCTA 62873
 QY 3043 CTGTAACAAAGCCCTTTAAATGGGTATCTCTTTTGAAGCAGTCCCTTTCTCATATTGAG 3162
 |||||||
 Db 62934 CTGTAACAAAGCCCTTTAAATGGGTATCTCTTTTGAAGCAGTCCCTTTCTCATATTGAG 62993
 QY 3163 ATGACTGATTTTACTGAGGTTTCTACACAAGAGGAGTGTGTTGGCCATTAAAC 3222
 |||||||
 Db 62994 ATGACTGATTTTACTGAGGTTTCTACACAAGAGGAGTGTGTTGGCCATTAAAC 63053
 QY 3223 CATGTAGTTTGTACACATCACTAAATGCTTGAACAGTACACATGACACACAAGAGCT 3282
 |||||||
 Db 63054 CATGTAGTTTGTACACATCACTAAATGCTTGAACAGTACACATGACACACAAGAGCT 63113
 QY 3283 CATCAAAACAGTAAAGCTGGAAGGAAGCAGAACCAATCTCATTTGTTGCTGCTG 3342
 |||||||
 Db 63114 CATCAAAACAGTAAAGCTGGAAGGAAGCAGAACCAATCTCATTTGTTGCTGCTG 63173
 QY 3343 GCTCAAAACGGAACCAATGAGCTTGTAAAGATTAAGTTCTTTTGTGTTTTC 3402
 |||||||
 Db 63174 GCTCAAAACGGAACCAATGAGCTTGTAAAGATTAAGTTCTTTTGTGTTTTC 63233
 QY 3403 CTCTCAGACTTATGATAATGTGACCGGCTTATGCAAAATTTTCTATTTCTAAACATA 3462
 |||||||
 Db 63234 CTCTCAGACTTATGATAATGTGACCGGCTTATGCAAAATTTTCTATTTCTAAACATA 63293
 QY 3463 CTACTATGATATACAGTGTGTTGAGCATATTAATAATGAATGCTGCTTGGACAGT 3522
 |||||||
 Db 63294 CTACTATGATATACAGTGTGTTGAGCATATTAATAATGAATGCTGCTTGGACAGT 63353
 QY 3523 AAAGAGAAAAA 3534
 |||||||
 Db 63354 AAAGAGAAAAA 63365

RESULT 4
 US-09-991-936-1914
 ; Sequence 1914, Application US/09991936
 ; Publication No. US20030073827A1
 ; GENERAL INFORMATION:
 ; APPLICANT: Brandt, Kevin S.
 ; APPLICANT: Gaines, Patrick J.
 ; APPLICANT: Stinchcomb, Dan T.
 ; APPLICANT: Wisniewski, Nancy
 ; TITLE OF INVENTION: FLEA HEAD, NERVE CORD, HINDGUT AND MALPICHIAN TUBULE
 ; FILE OF INVENTION: NUCLEIC ACID MOLECULES, PROTEINS AND USES THEREOF
 ; FILE REFERENCE: FC-6-CI
 ; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/991,936
 ; CURRENT FILING DATE: 2001-11-21
 ; PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/543,668
 ; PRIOR FILING DATE: 2000-04-07
 ; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/128,704
 ; PRIOR FILING DATE: 1999-04-09
 ; NUMBER OF SEQ ID NOS: 1959
 ; SOFTWARE: Patentln Ver. 2.1
 ; SEQ ID NO 1914
 ; LENGTH: 3126
 ; TYPE: DNA
 ; ORGANISM: Ctenocephalides felis
 ; FEATURE:
 ; NAME/KEY: CDS
 ; LOCATION: (168)..(2720)
 US-09-991-936-1914

Query Match 24.2%; Score 877.8; DB 9; Length 3126;
 Best Local Similarity 63.3%; Pred. No. 7.6e-161;
 Matches 1417; Conservative 0; Mismatches 807; Indels 15; Gaps 4;

QY 312 ATTCACAGTGTGGTACATATGATGATTTCCATCTATTGATGGGTCGAGAAAAATGT 371
 |||||
 Db 516 ATTCACAGTGTGGTACATATGATGATTTCCATCTATTGATGGGTCGAGAAAAATGT 575
 QY 372 AAAGACAGAAAGGATATGACGATCAACAGCAAGAAAGAAAGATGAGATGGGAATG 431
 |||||
 Db 576 AAAGATGATGATGACATGATGATGATTTGTTAAAAAGCAAGACTTATATCTGACCTG 635
 QY 432 ACAAAAAGTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 491
 |||||
 Db 636 ATAAAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 695
 QY 492 TCAGGGGACATGGCCGATTAATAGACATTTGCTGCCATTTGATGACTGACATTAAGAG 551
 |||||
 Db 696 ACAAGGACATTTGCGAGCGCTCATGATATCGAGCAAGTTGGATGACGAGATTAAGAAC 755
 QY 552 GGCATTTGCTTGTAGTGGCTTGTGATCAACAGCAAGAGTGTGTTGGGATCTAATGAA 611
 |||||
 Db 756 GGTGTTTCCACAGACATTTCTGTTGTAATAGAGAACAAATGTTGTTGTCATTAATGAA 815
 QY 612 ACAACATTTGAAGAGGATTAATGTCACAGTGAAGAAACATGGGAGATTAATGATA 671
 |||||
 Db 816 ACAACCTTTGATGA - - -TGAAAAATGCTCACAATGCTGACTGGCTGAGGTTTGGA 872
 QY 672 GGTCAAGCAAGGCTGCTGTTCTTATATCATGACATCAATATGATGATCTTCTGGGCC 731
 |||||
 Db 873 CAACCTTAAGAACTGGGGGGGGGCTTACATTAATGCTTAATTTGTTTATATTAATTTGGGCA 932
 QY 732 TTGAGTTTGCCTTTCTGAGTTTCCCTGTAAGGATTTGTCATATGCTGATGCTGGGC 791
 |||||
 Db 933 TTGATTTTCTCTTTTGGGAGCTCTTTTGGTGGCATGTTTGACCTTATGCTTGGGG 992
 QY 792 TCTGGAATTCAGAGATTAACATATTTTAAGTGATTCATCAAGAGCTTACTTGGGA 851
 |||||
 Db 993 TCAAGTATACAGAGATTAACCAATCTGAGTGGTTTATTCATCAAGAGATATCTTGA 1052
 QY 852 AAATGACACTTAATGATTAACCAATCACTTATGCTGCTGCTGCTGATGATGATTTGAGT 911
 |||||
 Db 1053 AAATGACACTTAATGATTAACCAATCACTTATGCTGCTGCTGATGATGATTTGAGT 1112

Db 516 ATTCTGGGATTGGCAATATGATGATTTCCATACGATAGATTGGCAACGTGATATAGCC 575
QY 372 AAGACAGAGAAGGATAGACGATCAACAGAAAAAGAAAGATGACATGGGAAATG 431
Db 576 AGAATGCAATGACATCGATATATGTTTAAAAACGACAGACTCTATCTAGACCTG 635
QY 432 ACAAAGTTTGTATGATCGCTGAGATGAGCTAGTACATCAACAGAAATGGCA 491
Db 636 ATAAAGGTCGCCATGATGCTGCTGAGTGGGTGTGTCTTCATAGTGGGCTGGTG 695
QY 492 TCAGAGGACACGCGCGGATTAATAGACATTCCTCCGATTTGGATGACTGACCTAAAGAG 551
Db 696 ACAGAGACTTATGACAGGCTCATATGAGATATCGAGCAAGTTGGATGACGATTTAAGAAC 755
QY 552 GGCATTTGCTTACTAGCTGTGTGTGTACACACAGACAGTCTGTGGGATTCATAGAA 611
Db 756 GGTGTTTGGCCACAGCATTTCTGTTGATATGAGAACAAATGTTTGGTCTATTAATGAA 815
QY 612 ACAACATTTGAAGAGAGGATTAATATGTCACAGTGAAGAAACATGGGAGAAATTAATGATA 671
Db 816 ACAACCTTTGATGA---TGAATATTGCTCACAAATGGCTGACATTTGGCTGAGCTTTTGGA 872
QY 672 GGTCAACACAGAGGCTGCTGTCTTATATCATGATGATACATATATGATATCTTGGGCC 731
Db 873 CAACCTTGAACCTGGGCGGCGGCTTACATATATGCTTATTTGTTTATTTATTTTGGGCA 932
QY 732 TTGAGTTTGCCTTTCTTGAGATTTCCCTGTAAGGTAATTTGCTCCATATGCTGTGGC 791
Db 933 TTGATTTTGTCTTCTTGGCAGCTCTTGTGTGGCATGTTTGCACCTTATGCTTGTGG 992
QY 792 TCTGGAATTCAGAGATTTAAACTATTTTAAAGTATTCATCATAGAGTTTACTTGGGA 851
Db 993 TCAAGTTACAGAGATTTAAACCATTTCTGAGTGTTCATCATCAGAGATATCTTGA 1052
QY 852 AAATGAGCTTTAATGATTTAAACCATCATCTACTCTGCTGGCATCAGGTTTGAAT 911
Db 1053 AAATGAGCATGATTTAATTAAGTATGAGATCATGTTGTCTGATATAGCTGAGTATAGT 1112
QY 912 TTAGAAAGAGAGGTCCTCTGATGATGTTGCTGCTGCGGAAATATCTTTCTTAC 971
Db 1113 TTGGGTAAAGAGGTCCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1172
QY 972 CTCTTTCCAAAGTATGACACAAAGCAAGCTTAAAGAAAGGAGGTGATCAGCTGCTCA 1031
Db 1173 TTAATTTCTAAATATGCTGCGAATGAGCAAGAAAGAGAGATTTATCAGCAGCTGCA 1232
QY 1032 GCGAGAGGGTCTCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1091
Db 1233 GCGAGTGTGTATCTGTTGATTTGGAGCACATATTTGGAGGTGCTTTTCAAGTTTGGAA 1292
QY 1092 GAGTTAGCTATTAATTTCTCTCAAAACTTTATGAGATCATTTTGTGCTTTAGTG 1151
Db 1293 GAGGTAGCTATTTTCCATTTGAACACTTTATGAGATCATTTTGTGCTTTAGTA 1352
QY 1152 GCTGATTTTGTGAGGTGCTCATCATCATTTGTTGAACAGCGCTGCTTTTAT 1211
Db 1353 GCGAGCTTTCAATTTGCGATCAATTAATCATTTGGAATGAGCAGCTGCTTTCTAT 1412
QY 1212 GTGAGATCATACACAGGTTACCTTTTGAACCTGTTTCTTTATCTTTAGGGGTA 1271
Db 1413 GTGGAATACATAAACCTTGGATATTTTGAACCTGATACCTTCAATGAGCCCTTGGATA 1472
QY 1272 TTTGAGAGGCTTTGGAGGCTTTTTCATTTAGGCAAAATTTGCTGCTGCTGAGCG 1331
Db 1473 ATTGGTGTGTGTAGAACAGCTGTTTATTAAGCTAATTTGTAGTGTGTGCTTACCT 1392
QY 1392 AAGTCCAGAAATTTGGAAGATATCCGTTCTGGAAGTCAATTAATTTGTGAGCCATTAAT 1391
Db 1593 AAATTTTCTAACTAGACAGTACCCGCTGACAGAGTTTGTAGTGTGCTGTTGCAACA 1592
QY 1392 GCTGTATGACCTTCCCTAATCATCACTAGGTTAAACCAAGTGAAGTGAATCAAGAG 1451
Db 1593 GCAATGATGCTTATCTTATCTTATCTTACACAGGATGATGATGATGATGATTTTAAAT 1652

QY 1452 CTTTTCACAGACTGTGGTCCCTGGAATTCCTTCTTTTGTGACTACAGAAATGACATG 1511
Db 1653 CTATTCAGCCATATCGGAGATTTCCATTTCTGATCTTGTGTGATTAATTCGCAATTTTC 1712
QY 1512 AATGCCAGTAAATTTGTCATGATATCTGATGCTGTCAGGAGGATTTGAGTATTTCA 1571
Db 1713 ACTGATGTTAATACGATATGAAATATGACAG-----CAGCTGGGCTGGTGTACAG 1766
QY 1572 GCTATATGCGAGTTATGCTTGGCAGCTCATATTTTAAATCATATATGACATTTACCTTT 1631
Db 1767 GCTGTGTGTGCTTCCATGATTTGCTTTGTGATGAAATTTGGAAATGACATGATTTTACCTTT 1826
QY 1632 GGCATCAAGCTTTCATGAGGCTGTGTGATCCCGACATGCGCATTTGAGGATGAGCA 1691
Db 1827 GGTATGAAGTACCATGATGCTGTGTTTATCCCAAGTTTATGCTTGAAGGATTAATGAGGT 1886
QY 1692 AGGATTTGGGATTTGGGCTGAGCAGCTTGCCTATATACACAGACTGCTTATCTTT 1751
Db 1887 AGAATTTGGGCAATTTGGAATTTGAACAATTTGCTTACTATTTATTCATAATTTATGTTCTT 1946
QY 1752 AAGAGTGTGTGAGTGTGGGCTGATTTGATTTACCTGCTTTTATGCTATGCTT 1811
Db 1947 TCTGTGAATGCTCAACTGAGAGCAATTTGCATCACACCGGCTGTATGCTATGCTATG 2006
QY 1812 GCTGCTGATGCTTATGAGTGTGAGCAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1871
Db 2007 GCTGACGCTGTTTATGAGTGTGCTGCTCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2066
QY 1872 GAGCTTACTGAGGCTTGAATATATTTGCTTATGCTTATGCTGAGTATGATGATGATGAT 1931
Db 2067 GAACTGATGCTGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2126
QY 1932 TGGGTTGAGATGCTTGTGAGGAGGCAATTTATGAGCAGACATCCCATTTAAATGGA 1991
Db 2127 TGGGTTGAGATGCTTGTGAGGAGGCAATTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2186
QY 1992 TACCTTCTTGTGATGCAAAAAGAAATTCATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2051
Db 2187 TATTCATTTCTTGGACAGTAAAGATGATTTGACATATCATTTTATGCTGACGATGATGAT 2246
QY 2052 AGACCTGGAAGATGATGCTTCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2111
Db 2247 CAACCCAAAGAGATTTGAACA---TTAAGTGTATTCATCTCAAGCTGATGATGATGATGAT 2303
QY 2112 GATTTAAGAAATGATTTAATGAACAGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2171
Db 2304 GATGTTAAGGTTTATGAAAGAAACAGAGACAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2363
QY 2172 GAATCTGAGATGATGAGGATTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2231
Db 2364 GAATCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2423
QY 2232 GCCAGGAAAAAAGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2291
Db 2424 GCTAAGAGCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2480
QY 2292 CCAATCTTCCAGAGAAATGCTTGGGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2351
Db 2481 CCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2540
QY 2352 CTTTTCACAGTACAGACACACACCAATGAGATTTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2411
Db 2541 CCAATACAGTACAGTACAGTACAGTACAGTACAGTACAGTACAGTACAGTACAGTACAGTACAG 2600
QY 2412 GCACTGAGCAGTGTCTTGTATCTACATGAGGCTTCTTGTGATTAATTAACAAAAA 2471
Db 2601 GGTATTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2660
QY 2472 GATATCTGCTGGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2531
Db 2661 GATGTTTACGACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2720

[illegible]

32	1322	AAATTTTCTAACTAGACAGCAATACCCCGTTGACAGAGATTATAGTTGGTGGCTGGTGGCAACA	1129
Db	1188	AAATTTTCTAACTAGACAGCAATACCCCGTTGACAGAGATTATAGTTGGTGGCTGGTGGCAACA	1129
OY	1392	GCTGTGATAGCCTTCCCTTAATGCATACACTAGAGCTAAACACCAGTGAACGATGATCAAGAG	1451
Db	1128	GCACTGATGATTGCTATACCTTAATCCCTTACACAGAGATGAATACAGCAACTATTATTATTTA	1069
OY	1452	CTTTTTCACAGACTGTGGTCCCTCGGATGATCTCTCTCTTTGGATGATACAGAAATGACATG	1511

1068 CTATTAGCCAAATGCGGATTTCCAAATTCGATTCCTTTGGTGTATTAACAATCCGAATTC 1009
1512 AATGCCAGTAATATTCGATGACATTCCTGATGCTCCAGCAGGATGGATATATCA 1571
1008 ACAGATGTTAAATCAGATATAGAAATGCAAG-----CAGCTGCTCTGCTCTACAG 955
1572 GCTATATGCAAGTTAGCCTGCGACCTCATATTTAAATCATATATGACAGATTCACCTTT 1631
954 GCTGTGGTGGTCCCTGATGCTTGGTACTGAAATGGGAATGAGATGATTTACCTTT 895
1632 GGATCAAGTTCCATCAGCCTTGTCATCCCGAGATGGCCATTTGAGGATCGCGAGA 1691
894 GGTATCAATACCATGATGCTGTGTTATCCAGATTTATGCCATGAGCTATATGAGGT 835
1692 AGGATTTGGGGATTTGGGTGAGAGACCTTGCTACTATACACAGCATGTTATCTTT 1751
834 AGAATTTGGGCAATTTGAATTTGAACAATGCTTACTATATTCACAAATATATGTTCTTT 775
1752 AAGAGTGTGTGAGTGGGGCTGATTCATTACACCTGGCTTTATGCCATGTTGTT 1811
774 TCTGTGAATGCTCACTGAGACAAATTCATCAGACCGGGCTGTATGCTATGTGGGC 715
1812 GCTGCTGATGCTTAGTGTGTGACAAAGATGACGTCTCCCTGGGTATTTGTTT 1871
714 GCTGACGCTTTTATGTTGTGCTAGATGACATGCTTTCTGTGGTAAATATCTTT 655
1872 GACCTTACTGAGGCTTGAATATATTTGTCCTTATGGCTGACATGACAGCTAAT 1931
654 GAATGCTGCTGTGTGATCTTATATGCTGCTTATGAGAGCTATGAGCTTAAATGA 595
1932 TGGGTTGGAATGCTTTGGCAGGAAAGCATTTATGACACACATCCGATTAATGA 1991
594 TGGGTTGATGCTTTGGGAGAGACAGCATATATGATGCCATATACAGCTTAAATGA 535
1992 TACCTTTTGGATGCAAGAAGATTCACATACACCCGCTGGCTGAGCTATG 2051
534 TATTCATTTCTGACAGATTAAGATTTGACATATCATCTTATGCTGAGATGTATG 475
2052 AGACCTGGAAGATGATCTCTCCCTTATGCTCTGACACAGGACAAATATGACAGTGAT 2111
474 CAACCCAGAGATGA---ACATTTAGTATATCATCTCAAGCTGATGAGCTGAT 418
2112 GATATGAAACATGATTAATGAACAGCTACATGATTTCTGTCATATATGTCAAA 2171
417 GATGTGGAAGTTTACTGAAAGAACTGACACAAATGATATCCAGTTGTGTTCCAGA 358
2172 GAATTCAGAGATTTAGTGGGATTTGCCCTCAGAGAGACCTGCAATTTGCAATGAAGT 2231
357 GAATTCAGATCTTGTGATTTGTTTGAAGAGGACTTAAATCAGCATRAGCAAT 298
2232 GCCAGGAAAAACAGAGATGATGTTGCGAGTCTGCGGTGTGTTTGCACAGCACACC 2291
297 GTAGAGAGCATGATGATGGGATACAGAGCAAGTTTGTACTTTTCATA---AATGGC 241
2292 CCATCTCTCCACAGCAAAAGTCTCGGCCATTTGAGCTTTGAAGCATTTGACATGAGC 2351
240 CCAAGAGTGAAGTTTGAAGACCTCCACCTTTGAATGAAGAAATTTAGATGAGCT 181
2352 CTTTATGACAGACACACACCCCAATGAGATTTGTGTGATTTTCCGAAGCTG 2411
180 CCAATACAGATGATGATCAACACCAATGAACTGTGTGATGATGTTAGAAACTA 121
2412 GAGCTGAGGAGTGCCTTTACTCAATATGCGGCTCTCTGGCATTTATACAAAAAA 2471
120 GGTATAGCTAGACATTTAGTACACAAATGAGGCTTGTGCGTGTATTAATCAAAAA 61
2472 GATATCTCCGCGATATGCGCCAGAGGCAACCAAGACCCGCTTCATTAATATGTTCAA 2530
60 GATGTTTACGACATGTAACAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2

RESULT 8
US-09-991-936-1910

Sequence 1910, Application US/09991936
; Publication No. US20030073827A1
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: Brandt, Kevin S.
; APPLICANT: Gaines, Patrick J.
; APPLICANT: Stinchcomb, Dan T.
; APPLICANT: Wisniewski, Nancy
; TITLE OF INVENTION: FLEA HEAD, NERVE CORD, HINDGUT AND MALPIGHIAN TUBULE
; FILE REFERENCE: FC-6-C1
; FILE REFERENCE: NUCLEIC ACID MOLECULES, PROTEINS AND USES THEREOF
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/991,936
; PRIOR FILING DATE: 2001-11-21
; PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/543,668
; PRIOR FILING DATE: 2000-04-07
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/128,704
; PRIOR FILING DATE: 1999-04-09
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 1959
; SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
; SEQ ID NO 1910
; LENGTH: 1968
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Ctenocephalides felis
US-09-991-936-1910
Query Match 21.8%; Score 791; DB 9; Length 1968;
Best Local Similarity 64.3%; Pred. No. 4,5e-144;
Matches 1238; Conservative 0; Mismatches 675; Indels 12; Gaps 3;
312 ATTCCAGGTTGGTGTATGATGATTTCCATCTATGATTTGGGAGGAAATGT 371
45 ATTCTTGGATTTGGCAATTTGATGATTTCCATACATATGATTTGGCAACGTATATGCC 104
372 AAAGACAGAAAGGCTAGACGATACAGCAAGCAAGAAAGAAAGATGAGATGGGAATG 431
105 AGAGATGAAATGAGACATCATATATTTAAAGAAAGCAAGCAAGCTTATATGAGCTG 164
432 ACAAAAGTTTGTATGATGCTGTGTCAGATGCTGTATGATGATGATGATGATGATG 491
165 ATAAAGGATGCCCATGATGCTGTGCTGATGCTGTGCTGTGCTGTGCTGTGCTGTG 224
492 TCAGGGGCTAGGGGCTGATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 551
225 ACAAGAGCTTTTGCAGGCTCATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 284
552 GGCATTTGCCCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 611
285 GGTGTTTGGCCACAGCATTTCTGTTGAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 344
612 ACAACATTTTAAAGAGGATTAATGCTCACAGTGTGCTGTGCTGTGCTGTGCTGTG 671
345 ACAACCTTTGATGA---TGAAATTTGCTCAAAATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 401
672 GGTCAACAGAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 731
402 CAACCTTAGAAGTGGGCGGGGCTTACATATTTGCTTATTTGTTTATTTATTTATTTG 461
732 TTGATTTTCCCTTTTCTTCAAGTTTCCCTGTTAAAGTATTTGCTTCAATGCTGTGCG 791
462 TTGATTTTCTCTTCTTGGAGGCTCTTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 521
792 TCTGGAATTCAGAGATTAATGATTTTAAAGTATGATGATGATGATGATGATGATG 851
522 TCAAGGTATACAGAGATTAACCATCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 581
852 AAATGACCTTATGATTAATCAACCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 911
582 AAATGACATTTGATTTATTAAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 641
912 TTAGAAAGAGAGTCCCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 971
642 TTGGGTAAAGAGTCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 701
972 CTCTTTCAAGTATATGACACAAAGCTTAAAGAAAGGAGGTGCTATGATGCTGCTCA 1031

```

Db 702 TTTATTCCTAAATATGTCGGAAATGAGCAAGAAAGAGAGATTTATCAGCAGCTGCA 761
1032 GCGACAGGGGTTTCTGATGCTTTTGGTCACCATTTGGAGAGTCTTTTATGCTGGAA 1091
Db 762 GCGACGTGTGTATCTGTTGATTTGGAGCACATTTTGGAGGTGGCTTTCAGTTTGGAA 821
1092 GAGGTAGCTATTATTTCTCTCAAACTTTATGAGATCATTTTGGCTGTAGTG 1151
Db 822 GAGGTAGCTATTATTTCCATTGAACACCTTATGAGATCATTTCTGTGCTTATATA 881
1152 GCTGCAATTTGTTTGAAGTCCATTCATTTGTTAAGACGCGTGTCTTTTAT 1211
Db 882 GCAGCTTTCAATATTCATTCATTAATTCATTGGAATGAGCAGCTGTCTTCTAT 941
1212 GTGAGATCATACACCATTTGACCTTTTGAAGTCTTTTATTTCTTATAGGGGTA 1271
Db 942 GTGGAAATACATTAACCTTGATATTTTGAACGTGATACCTTTCAATAGGCTTGGATA 1001
1272 TTTGAGAGGCTTTGGAGAGCTTTTTCATTAGGCAATTTTGGCTGTGTGCGAGC 1331
Db 1002 ATTGTGTGTGTGTAGACAGCTGTATTATAAAGCTAATTTGTACTGTGTGCTACCT 1061
1332 AAGTCACGAATTTGGAAGATCCCGTTCTGGAAGTCAATTTTGGAGCCATTACT 1391
Db 1062 AAATTTTCTAACTAGGACAGTACCCCGTTGACGAAGTTTATGTTGTCTGTGCAACA 1121
1392 GCTGTATACCTTCCCTATTCATACACTAGGCTTAACACAGCTGACTGATCAAGAG 1451
Db 1122 GCGATGATCTTATCTTAACTTCCCTGGAATCTCTCTTGTGTAGCTACAGAAATGACATG 1181
1452 CTTTTCACAGCTGTGTGTCCTGGAATCTCTCTTGTGTAGCTACAGAAATGACATG 1511
Db 1182 CTATTCAGCAATTTGCGGATTTCCAAATTCGATTCCTTGTGTGTATTCATCGCAATTC 1241
1512 AATGCCAGTAAATTTGCGATGACATTCCTGATGTCGACAGGATGAGATATTTCA 1571
Db 1242 ACTGATGTTAAATCAGTATATGAATAGAG-----CAGCTGTCTGTCTACAG 1295
1572 GCTATATGGCAGTTATGCGTGCATCATTTTAAATCATATGACAGATTCACCTTT 1631
Db 1296 GCTGTGTGTGTCTCGATTCGATTCGTTGTGTAATAATTTGGAAATGATTTTACCTTT 1355
1632 GGCATCAAGTTCATCAGAGCTTGTTCATCCAGCATGGCCATTTGGAGGATCGCAGGA 1691
Db 1356 GGTATGAATACCATGTGTCTGTTATTCGCAAGTTTATGCTAGAGGATATATNGGT 1415
1692 AGCATTTGTGGGATTTGGGTGAGAGCTTGCCTACTATCACACGACGCTTATCTTT 1751
Db 1416 AGAATTTGTGGCATTTGAATGAACAATTTGCTTACTATATTCMAAATTTATGTTCTTT 1475
1752 AAGGAGTGGTGAAGTGGGCGCTGATTTGATTAACACCGCTTTATGCGAGTGTGCT 1811
Db 1476 TCTGTGTAATGCTCAACTGGAGCAATTCATCATCACCGGCGCTGATATGATGTGGC 1535
1812 GCTGCTGATGCTTGAAGTGTGTGACAGAATGACTGTCTCCCTGTGGTATTTGTTT 1871
Db 1536 GCTGAGAGCTTTTATGTTGTACACAGATGACAGTTTCTGTGGTGAATATGCTTT 1395
1872 GAGCTTACTGGAGGCTTGAATATATTTTCCCTTATGCTGCTCAGTCAATGACAGTAAA 1931
Db 1596 GAATCTACTGTGTGTATCTTATCTGTCCTTATATGACAGTATGAGCTTCCAAA 1655
1932 TGGGTTGAGATGCTTTTGGCAGGAAGCATTTATGAACACACATCCGATTAATGGA 1991
Db 1656 TGGGTTGTGTATGCTTTGGCAGACAGGGTATATATGATCCCATATACAGCTTAATGGA 1715
1992 TACCTTTCTTGGATCAAAAGAAATTCATCATACACCTGTGGTGTGACGTTATG 2051
Db 1716 TATTCATTTTGGACAGTAAAGATGATTTGACATATACATCTTATGTCAGATGTGATG 1775
2052 AGACCTGGAAGATGATCTCTCCCTTATGCTGTCTGACAGACAGCATATGACAGTGGAT 2111

```

```

Db 1776 CAACCCAGAGGAATGA---ACATTAAGTGTATTCATCTCAAGACTGATGATGTGAT 1832
1212 GATTTAGAAAACATGATTAATGAACAGCTACATGATTTCTGTATATATGCAAAA 2171
Db 1833 GATGTTAGAGTTTACTGAAAGAACTGAGCACAATGATTCAGTTGTTTCCAGA 1892
2172 GAATCTCAGAGATTTAGGTTTGGCCCTCAGAGACAGCTGACAAATTTGCAATAGAAAGT 2231
Db 1893 GAATCTCAGATCTTGTGTGATTTGTTTGTGAGAGGAGACTTAATCTAGCATAGCCAT 1952
2232 GCCAG 2236
Db 1953 GCTAG 1957

```

```

RESULT 9
US-09-991-936-1911/c
; Sequence 1911, Application US/09991936
; Publication No. US20030073827A1
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: Brandt, Kevin S.
; APPLICANT: Gaines, Patrick J.
; APPLICANT: Slinchcomb, Dan T.
; APPLICANT: Wisniewski, Nancy
; TITLE OF INVENTION: FLEA HEAD, NERVE CORD, HINDGUT AND MALPIGHIAN TUBULE
; TITLE OF INVENTION: NUCLEIC ACID MOLECULES, PROTEINS AND USES THEREOF
; FILE REFERENCE: FC-6-cl
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/991, 936
; CURRENT FILING DATE: 2001-11-21
; PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/543, 668
; PRIOR FILING DATE: 2000-04-07
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/128, 704
; PRIOR FILING DATE: 1999-04-09
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 1959
; SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
; SEQ ID NO 1911
; LENGTH: 1968
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Ctenocephalides felis
US-09-991-936-1911

```

```

Query Match 21.8%; Score 791; DB 9; Length 1968;
Best Local Similarity 64.3%; Pred. No. 4.5e-144;
Matches 1238; Conservative 0; Mismatches 675; Indels 12; Gaps 3;
QY 312 ATTCAGAGTGTGTGATATGATGATTTTCCATCTATTTGATGGTCCGAGAAATGT 371
Db 1924 ATTCTGTGGATTTGGCAATATGATGATTTCCATTCGATTTGCGCAAGCTGATATGACC 1865
372 AAGACAGAGAAAGGCTATGACGATCAACAGCAAAAGAAAGATCAGCATGGGAATG 431
Db 1864 AGAGATGATGAGACATTCATATATTTTAAAGAAAGCAAGACTTATATCTAGACCTG 1805
432 ACAAAAGTTTGTATGATGCGTGTGATGCGTCTACTATTAACACTTACAGATTTGCA 491
Db 1804 ATTAAGGTCCTCATATGCTGTGTGATGCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 1745
492 TCGAGGCACTGCGCGGATTAATAGACATTTGCTGCCATTTGATGATGACCTTAAAGAG 551
Db 1744 ACAGGAGCTATTCAGAGCGCTATGATGATGCGAAGCTTGTGATGAGAGATTTAAAGAAC 1685
552 GGCATTTGCTTTAGTGTGTGTGTATCAACCAACAGAGCTGTGTGGGATCTTAATGAA 611
Db 1684 GGTGTGTGCTCCACAGCATTTCTGTGTGAATAGAGAACATGTTGTGTCTATTTGAATGAA 1625
612 ACAACATTTTGAAGAGAGGATTAATGTCCACAGTGAAGAAACATGGGAGATTAATCATATA 671
Db 1624 ACAACCTTTGATGA---TGAATAATGCTCACAAATGCGTGTGACCTGTGAGGTTTTCGA 1568
672 GGTCAAGCAGAGGCTCTGTGTTCTTATATCATGACATCACTAATGTACATCTTGTGGCC 731
Db 1567 CAACCTTAAGACTGGGCGGCTTACATTAATTCCTTATTTGTTATATTAATTTGGCA 1508

```

OY	732	TTGAGTTTGGCTTCTTGTCAGAGTTCCCTCGTAAGGATATTTCTCATATCCCTGGC	791
Db	1507	TTGATTTTGGCTTCTTTGGCAGCCTCTTTSGTCCGATGTTTGCACTTATGCTTGTGG	1444
OY	792	TCGGAATTTCCAGAGATTAAAAAATATTTTAAGTGATATCATCATCAGAGATTACTTGG	851
Db	1447	TCAGGTATACAGAGATTAAAAACCATCTGAGTGGTTCAATCATCAGAGATATCTTGA	1388
OY	852	AAATGACATTTAATGATTAATAAACCATCACATTAGTCTGTGCTGTGGCATCAGTTTGA	911
Db	1387	AAATGACATTGATTATTAATAAGTATGAGAAATCATGTGTGCTGATACACTGGATTGAGT	1328
OY	912	TTAGAAAAAGAGGTCCCGGTGATACATGTTGGCTGTGCTGGGAAATTCCTTTCCAC	971
Db	1327	TTGGTAAAGAGAGTCTCTATATGTAACATTTGCCAGCTGTATAGTATATATTTGCTTAT	1266
OY	972	CTCTTTCCAAAGATTATGACAAACGAAAGCTAAAAAAGGAGGTGCTATACAGCTGCTCA	1031
Db	1267	TTATTTTCTAATATTTGTCGGAAATGAAAGCAAAAGAGAGTTTATACACAGCTGCA	1208
OY	1032	GCTGCAGGGGTTTCTGTAGCTTTTTTGTGCACCAATTGAGAGAGTCTTTTTAGCCGTGAA	1091
Db	1207	GCAGCTGTGTATCTGTGTGATTTGGAGCACCAATTGGAGGTGTGCTTTTCAGTTTGGAA	1148
OY	1092	GAGGTAGCTTATTTTCTCTCAAACTTTAGAGATCATTTTTCGTCTTAAAG	1155
Db	1147	GAGGTAGCTATCTATTTTCCATTTGAAACCTTTAGAGATCATTTCTGTCTTTTGATA	1088
OY	1152	GCTGCATTTGTTTGTAGGTGTCATCAATCATTTGTGTACAGCCGTGTGCTCTTTTAT	1211
Db	1087	GCAGCTTTCATATTTGGCATCATATAAACCATTTGGAAATGAGACAGCTGTCTTTTAT	1022
OY	1212	GTCGAGTATCATACACCATGTACCTTTTGAACGTCTTTCCTTTTATTTCTTCTAGGGTA	1271
Db	1027	GTCGAAATACATAAACCTTGATATTTTGTGAACGTATACCTTTCAATVAGCCCTTGAATA	968
OY	1272	TTTGGAGGGGCTTTGGGAGCCTTTTCATATGAGGCAAAATATGCTCGGTGTGTGAGGC	1331
Db	967	ATTTGTGTGTTGTAGACAGCGTGTATTAATAAGCTAATTTTGACTGTGTGTGCTACGT	908
OY	1332	AAGTCACGAAATTTGGAAGTATATCCGTTCTGAGAGTCATATTTGTGACACCACTTACT	1391
Db	907	AAATTTTCTAATACATAGSACAGTATCCCGTTCCAGAAAGTTTATGTTGTCTGTGCACA	848
OY	1392	GCTGTGATAGCTTCCCTAATTCATACACTAGGCTAACAACAGTGAACACTGATCAAGA	1451
Db	847	GCAGTATGTCCTTATTCCTATCTCTACACGAGATGAATACTAGCACTGATTTATTTA	788
OY	1452	CTTTTACACAGCTGTGTCCCTGGATCTCTCTCTTTGTGACTACGAAATATACATG	1511
Db	787	CTATTTACGCCAATCCGGATTTCCAAATTTTGATCTCTTGTGATATCATGCAATTTTC	728
OY	1512	AATGCCAGTAAATTTGTCGATGATTCCTCGATCGTCCAGAGCAATGGAGATTAATTC	1571
Db	727	ACTATGTATTAATCAGCTATAGAAATAGCAG-----CAGCTGTGTGTGTCTTACACG	674
OY	1572	GCTATATGAGATTATGCTCGGACATCATATTTAAATCATATGACATGATTACTCTTT	1631
Db	673	GCTGTGTGTGTGCTGCTGATGCTTTTGGTATGTAAGAAATGGAAATGATGATTAATTCCTT	614
OY	1632	GGCATCAAGGTTCCATAGGCTTTTCATCCGAGCATGCGCATTTGGAGCATCGCAGGA	1691
Db	613	GGTATGAAAGTACATGTGTCTGTATTATCCCAAGTTTATGCTGTAGGAGCTATTATGGGT	554
OY	1692	AGGATTTGGGAGATTGGGTGGAGACAGCTTGCCTACTATACACAGACAGTGTATCTTT	1751
Db	553	AGAAATTTGGGCATTTGGAATGACAATTTGGCTTTACTATTAATCCAAAATTAATGCTTCTT	494
OY	1752	AAGGAGTGTGTAGAGTCGGGCTGTGATTCATTAACCTTGCGCTTTATGCCATGTTGTGT	1811
Db	493	TCGTGTGAATGTCACTGTGAGACAAATTTGATACACGGGCTGTATGTCTATGTGTGGC	434
OY	1812	GTCTGCTGATCTTAAAGTGTGTGACAAGAATGATCTGTCTCCCTGTGTGTATTTGTTTT	1871

D	b		433	GCTGCACACTGTTTAGTGGTGCACTAGATGACAGGTTCCTCGTGGTAATAATGTTT	374
Q	y	1872	GAGCTTACGTGAGGCTTGGAAATATATTGTTCCCTTATGGCTGCAGTCATGACCAGTAAA	1931	
D	b	373	GAACTGACTGGTGGTGTACTATTATTCGTGCCCTTAATGGCAGCAGTATGGCTCCAAA	314	
Q	y	1932	TGGGTTGGAANTGCCCTTTGGCAGGGAAGCATTTATGAMGCACATCCGATTAAATGGA	1991	
D	b	313	TGGGTTGGTATCCTTTGGGCACACAGGGATATAATGATGCCCATATACAGTTAATGGA	254	
Q	y	1992	TACCTTCTTGATGTGAAAAAGAATTCACATACACCCTGGCTGGAGCTPTATG	2051	
D	b	253	TATCATCTTTGTGACAGETAAAGATGAATTTGCACATACATCTTTAGCTGCAGANTCATG	194	
Q	y	2052	AGACCTCGAAGATGATCCTCCCTACGTGTCCTGCACACAGAACATAATGACAGTGAT	2111	
D	b	193	CACCCCAAGAGGATGCA--AACATTAAAGTGTATACCTCAAAGACTCGATGACTGTGAT	137	
Q	y	2112	GATTATGAAAAACATGATTATATGAACAACCACTCAATGTGATTTCTCTGTCAATATGTCAAA	2171	
D	b	136	GATGTTTAAAGTTTTACTGAAGAAGAACTGAGCACAAATGATATCCAGTTGTGTTCGGA	77	
Q	y	2172	GAACTCTCAGAGATTAGTGGGATTTGCCCTCAGAGAGACCTGACAAATTCGAATTAGCAAAAGT	2231	
D	b	76	GAACTCTCAGATCTGTGTGGATTTGTTTGAAGAGAGACTTAAATCTAGCATACCAAT	17	
Q	y	2232	GCCAG 2236		
D	b	16	GCTAG 12		

Db	1	ATTTTTCCTTTTGGCAGCCTCTTTGGTGGCAGTTTGACCTTAATGCTTGTGGGTCA	60
Qy	735	AGTTTGGCTTCTTGAGAGTTCCCTGGTAAAGATTTGGTCCATATAGCCTGGCTCT	794
Db	1	TT	111
Qy	795	GGAAATCCAGAGATTAAGATTAATTTAAGTGGATTCATCATCAGAGGTTACTTTGGAAAA	854
Db	61	GGTATACAGAGATTAAGCAATCTGTGATTCATCATCAGAGAGATTCCTGAAAA	120
Qy	855	TGGACTTAATGATTAAGCAATCATCATTAAGTCCCTGGCTGTGGCATCAGAGTTTGAAGTTTA	914
Db	121	TGGCAATGATTATTAATGAAGTGAAGATCATGTTGTCTGTATCATCAGTGGATTTGAAGTTTG	180

Db 2191 ATTTTGGCTCTTGGAGACCTCTTTGGGCGCATGTTTGCACCTTATGCTTGTGGTCA 2132
 QY 795 GGAATTCAGAGATTAATAACATTTTAAGTGATTCATCATCAGAGGTTACTTGGGAAA 854
 Db 2131 GGTATACCGAGATTAATAACATTTCTAGTGTGATCATCATCAGAGGATTCCTGGAAA 2072
 QY 855 TGGACTTAATGATTAATAACATTCATAGTCTGCTGGCTGCATCGAGTTTGGTTA 914
 Db 2071 TGGACATGATTAATAAGTGTAGATCATGTTGTCTGTATCAGCTGAGTATGAGTTG 2012
 QY 915 GGAAGAAGAGTCCCCGTGTCATGTTGCTGCTGCTGCGGAATATCTTTTCTACCTC 974
 Db 2011 GGTAAAGAGGTCCCTATGTCACATTCGACGTGTATAGTAAATATGTCCTATTTA 1952
 QY 975 TTTCGAATGATGACAAAGAGCTTAAAGAGGAGGTCATCGAGCTGCCTCACT 1034
 Db 1951 TTTCCTAATATGTCGGAATGAGACAGAGATTTTATCGACGCTGCACGA 1892
 QY 1035 GCAGGGGTTTGTAGCTTTTGTGACCAATTTGAGAGATTTCTTTAGCCTGGAGAG 1094
 Db 1891 GCTGGTATCTGTTGATTTGAGACACCTATTTGAGAGTGTGCTTTGAGTTGAGAG 1832
 QY 1095 GTTACCTATTTTCTCTCAAACTTTATGAGATCATTTTGTCTGCTTATGCTGCT 1154
 Db 1831 GTGAGCTACTATTTCCCTATGAGACCTTATGAGATCATTTCTGCTGTATACCA 1772
 QY 1155 GCATTTGTTTGGAGTCCATCATTCATTTGTATACAGCCGTCGCTGCTTTTATG 1214
 Db 1771 GCTTTCAATTTGCGATTCATTAATTCATTTGAAATGAGCACTCTGCTCTTTTCTAT 1712
 QY 1215 GAGTATCATACAGATGTGACCTTTTGTGACCTTTTCTTTATTTCTTATGAGG 1274
 Db 1711 GAATACATTAACCTTGATATTTTGTGACCTGATACCTTTATAGCCTTGAAATAT 1652
 QY 1275 GGAGGGCTTTGGGAGCTTTTCTATGAGCAATATGCTGCTGCTGCTGAGCAG 1334
 Db 1651 GGTGCTGTGTAGAACCTTTTATTAATAAGCTATTTGTCTGCTGCTGCTGCTGCT 1592
 QY 1335 TCCAGGAATTTGGAAGATCCGCTTGTGAGAGCATTTATTTGAGCCTTATGCT 1394
 Db 1591 TTTTCTAATACAGACAGTACCCGCTGTCAGAGTTTATGTTGCTGCTGCTGCTGCT 1532
 QY 1395 GTGATAGCTTCCCTAATCATACATAGCTTAAACACAGCAGTATGATGAGAGCT 1454
 Db 1531 GTGATGCTTATCCCTAATCCCTTACACAGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1472
 QY 1455 TTTACAGCTGTGCTCCCTGAGATCCCTCTCTCTTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1514
 Db 1471 TTTCAGCCAAATGCGGATTTCAATTTGATCTTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1412
 QY 1515 GCCAGTAAATTTGCGATGATTCATTCGATTCGAGCAGCAGTATGATTTACGCT 1574
 Db 1411 GATGTTAATAGCTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1358
 QY 1575 ATATGAGATTTATCCCTGAGCAGTATTTAAATCATATGATGATGATGATGATGAT 1634
 Db 1357 GTGAGGTTGCTGCTGATGCTTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1298
 QY 1635 ATCAGGTTCCATGAGCTTTTATGATCCCTGAGCAGTATGATGATGATGATGATGAT 1694
 Db 1297 ATGAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1238
 QY 1695 ATTTGGGATTTGGGATGAGCAGCTTGCCTGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1754
 Db 1237 ATTTGGGATTTGGGATGAGCAGCTTGCCTGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1178
 QY 1755 GAGTGTGTGAGTGGGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1814
 Db 1177 GGTGAATGCTCACTGAGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1118
 QY 1815 GCTGATGCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1874
 Db 1117 GCACCTGTTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1058

QY 1875 CTATCGAGCTTGGATATATGTTCCCTTATGCTGAGTCATGACAGTAATG 1934
 Db 1057 CTGAGTGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 998
 QY 1935 GTTGGAGATGCTTTGGCAGGGAAGCATTATGAGCAGCAGTCCGATTAATGATGATC 1994
 Db 997 GTTGGATGCTTTGGCAGGAGAGGATATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 938
 QY 1995 CTTTCTTGGATGCAAAAGAAATTCATCATACACCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2054
 Db 937 CCATCTTGGAGAGTAAAGATGAAATTTGACATCATCTTTAGCTGAGGATGATGCA 878
 QY 2055 CCTGGAAGATGATGCTCCCTTACCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2114
 Db 877 CCCAAGAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 821
 QY 2115 ATGAAACATGATTAATGAAAGCAGTACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2174
 Db 820 GTTGAAGTGTATGATGAAAGAAAGTACAGCAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 761
 QY 2175 TCTCAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2234
 Db 760 TCTCAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 701
 QY 2235 AGGAAAGAAAGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2294
 Db 700 AGAGCAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 644
 QY 2295 TCTCTTCCAGGAGAAAGTCTGCGCATTTGAGCTTGAAGCTTGAAGCTTGAAGCTTGAAGCTT 2354
 Db 643 ACAGTGAAGTGTATGAGCAGCTTCCACCTTTGAAGCTTGAAGCTTGAAGCTTGAAGCTTGAAG 584
 QY 2355 TTTACAGTACAGACACACCCCAATGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2414
 Db 583 ATACAGTACAGTACAGACACCAATGAGAACTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 524
 QY 2415 CTGAGGAGCTGCTTGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2474
 Db 523 TTACGTGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 464
 QY 2475 ATCTCGGATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2534
 Db 463 GTTATGAGCAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 404
 QY 2535 ATCTCAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2550
 Db 403 TATTTACATATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 388

RESULT 12
 US-09-962-436-541/C
 : Sequence 541, Application US/09962436
 : Patent No. US20020081301A1
 : GENERAL INFORMATION:
 : APPLICANT: Soppel, Daniel
 : TITLE OF INVENTION: Cancer Gene Determination and Therapeutic Screening Using Sign
 : FILE REFERENCE: 689290-75
 : CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/962.436
 : PRIOR FILING DATE: 2001-09-25
 : PRIOR APPLICATION NUMBER: US/60/235,082
 : PRIOR FILING DATE: 2000-09-25
 : PRIOR APPLICATION NUMBER: US/60/234,924
 : NUMBER OF SEQ ID NOS: 568
 : SOFTWARE: PatentIn version 3.0
 : SEQ ID NO 541
 : LENGTH: 433
 : TYPE: DNA
 : ORGANISM: Homo sapiens
 : FEATURE:
 : NAME/KEY: misc_feature

